



#4

1 CCTGGTCTCG CACTGCTCAC TCCCGCGCAG TGAGGTTGGC ACAGCCACCG
51 CTCTGTGGCT CGCTTGGTTC CCTTAGTCCC GAGCGCTCGC CCACTGCAGA
101 TTCCTTTCCC GTGCAGACAT GGCCTCTGGC ACCACCACTA CCGCCGTGAA
151 GGTGAGATGA GCCCTCCCAG CCGCAGCGGT TCGCCTGCCG GATGCCTTCN
201 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
251 CCTTCAAATG TTTGTTGATT TTTATGGAAG GCTTTGAAAT ATTTGTTGAT
301 TGATGTTTCA TAATTTTTCAG ATTTCAAAAA AATAACTAGG GCTTGGCAGG
351 AATGGAGAAG AGCATATGAA TAAATGAATT TGCTTAGAAT CTTATTTCTA
401 ATAAAAATTA CCAAATACAA TAATCTTATA TGTCTTTTTT TGCTCTTAGA
451 TTGGAATAAT TGGTGAACA GGCCTGGATG ATCCAGAAAT TTTAGAAGGA
501 AGAACTGAAA AATATGTGGA TACTCCATTT GGCAAGGTTA ATATCCAAC
551 TGTGGAGACA TGTTTTNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
601 TTCTCTAAGT TGTATCCTCA GACTCTTCAG ATTCCATGAG TCCTGTTGTG
651 GTTGAACAAT TATAATTTAC ATACCTGTTT TTAAATCAC TGAGTTAAAT
701 GTCATTTTTT TCATTGCATG CAGCCATCTG ATGCCTTAAT TTTGGGGAAG
751 ATAAAAAATG TTGATTGCGT CCTCCTTGCA AGGTATGGTA NNNNNNNNNN
801 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
851 AAGCTTGATA CTCATCACGG GTTAACAATT TCTTCTCTCC TTCCATAGGC
901 ATGGAAGGCA GCACACCATC ATGCCTTCAA AGGTCAACTA CCAGGCGAAC
951 ATCTGGGCTT TGAAGGAAGA GGGCTGTACA CATGTCATAG TGACCACAGC
1001 TTGTGGCTCC TTGAGGGAGG AGATTCAGCC CGGCGATATT GTCATTATTG
1051 ATCAGTTCAT TGACAGGTAA GCAGTCATAC AAAATGCTTT AGGCTATTGT
1101 AGCTGGTCAT TTTCAGCTCA AATGGACGAC NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
1151 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
1201 GAGGTCGACG GTATCGATAA GCTTTGTAAA CAATTGTCTT TAGCTTATCC
1251 AGAGGAATTG AGTCTGGAGT AAAGACCCAA ATATTGACCT AGATAAAGTT
1301 GACTCACCAG CCCTCGGAGG ATGGAAAGAT GGCCTTAAAA TAAACAAAC
1351 AAAAACCTTT TTTGCTTTAT TTTGTAGGAC CACTATGAGA CCTCAGTCCT
1401 TCTATGATGG AAGTCATTCT TGTGCCAGAG GAGTGTGCCA TATTCCAATG

FIGURE 1

1451 GCTGAGCCGT TTTGCCCCAA AACGAGAGAG GTGTGTAGTC TTTCTGGAAG
 1501 GTGTACCAGA ATAAATCATG TGGGCTTGGG GTGGCATCTG GCATTTGGTT
 1551 AATTGGCAGA CGGAGTGGCC CCATACCCTC ACTCAAGTTT GCTTTGTATT
 1601 ATGCAAGTTT ATGGAGAGTT ATTCCTGTT GCTAATAATT TNNNNNNNNN
 1651 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
 1701 AAGTGCAGCC TTAAGTTGTG CATGTGCTAG TATGTTTTGA AGTTTCTGGT
 1751 TTTTCTTTTC TAGGTTCTTA TAGAGACTGC TAAGAAGCTA GGA
 1801 CCACTCAAA GGGGACAATG GTCACAATCG AGGGACCTCG TTTTAGCTCC
 1851 CGGGCAGAAA GCTTCATGTT CCGCACCTGG GGGGCGGATG TTATCAACAT
 1901 GACCACAGTT CCAGAGGTGG TTCTTGCTAA GGAGGCTGGA ATTTGTTACG
 1951 CAAGTATCGC CATGGGCACA GATTATGACT GCTGGAAGGA GCACGAGGAA
 2001 GCAGTAGGTG GAATTCTTTT CTAAGCACAT ATAGCATGGG TTTCTGGGTG
 2051 CCAATAGGGT GTCTTAACTG TTTGTTTCTA TTACGTTAGT TTCAGAAAGT
 2101 GCCTTTCTAC AAGGTTTTGA AGTTGTTAAT ATTTTCTGTA GTTCCATTGG
 2151 AAGGTAAGAA CAAAGATCAA AAGAAAGAAA GAGACACTTT TACCCAAGGA
 2201 TCAGTAGTGA AAATAGTACA TTGTAGGCAT GTAGATGTGT TGAGAATCAT
 2251 ACTAAGACTT GGGCCTTNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
 2301 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
 2351 GAGCTCCGAA AAATGTTTTA TGACTAGCAG TGGAATTTTA AGTTCTAGTA
 2401 ACCTCCAGTG CTATTGTTTC TCTAGGTTTC GGTGGACCGG GTCTTAAAGA
 2451 CCCTGAAAGA AAACGCTAAT AAAGCCAAAA GCTTACTGCT CACTACCATA
 2501 CCTCAGATAG GGTCCACAGA ATGGTCAGAA ACCCTCCATA ACCTGAAGGT
 2551 AAGTGTCAGC CATGGACAAC CAGGCATGTC TGGAGACTCT CTATTGTCTT
 2601 CTCCTCTCAC TAGCATCACA CCCGGGGGTC CTCATGTATT TTATGCCAGC
 2651 CTANNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN
 2701 CTGTAGAATT TATTTAAAGT GTATGTTTCC TCGTCCTCA CTTTGATCTA
 2751 GAAAATCAAA ATCTGGTTTT TTTTTTAAACA AACATCTCAG TAATTACGCC
 2801 AACATGTGAA TATCACTGCC TCCTTTCTTC CTTTCAGAAT ATGGCCCAGT

FIGURE 1

2851 TTTCTGTTTT ATTACCAAGA CATTAAAGTA GCATGGCTGC CAGGAGAAA
2901 AGAAGACATT CTAATTCCAG TCATTGGGA ATCCTGCTT AACTTGAAAA
2951 AAATATGGGA AAGACATGCA GCTTTCATGC CCTTGCCTAT CAAAGAGTAT
3001 GTTGTAAGAA AGACAAGACA TTTGTGTGTA TTAGAGACTC CTGAATGATT
3051 TAGACAACTT CAAAATACAG AAGAAAAGCA AAA

Figure. The genomic sequence of MTAP gene. Exons 1-8 are underlined.

FIGURE 1